

APPROVED	O.E. FIG.	
BY	CLASS	SUBCLASS
DRAFTSMAN		

5 / 7

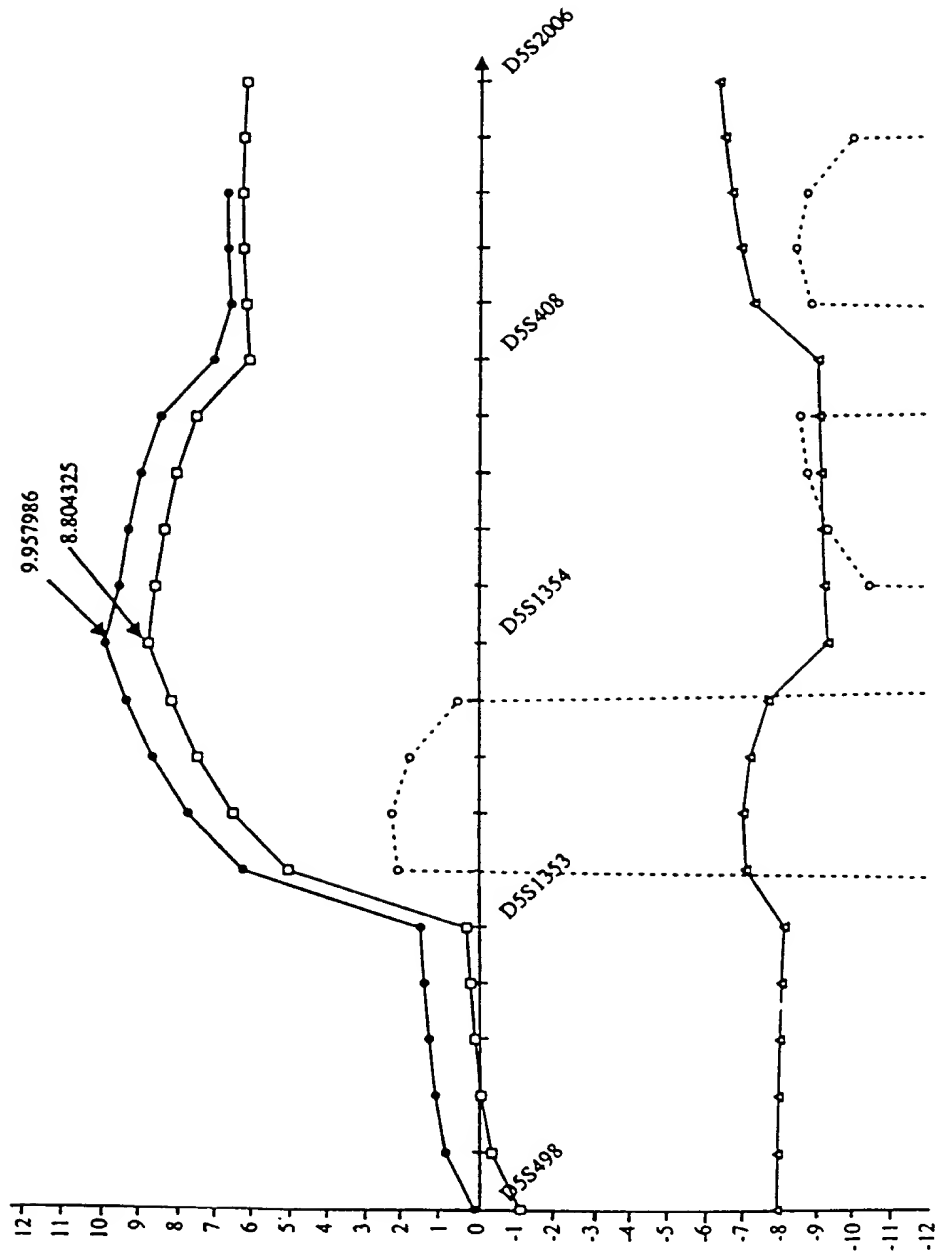


Fig. 2

FIG. 3A

[illegible]

APPROVED	O.G. FIG.	
BY	CLASS	SUBCLASS
DRAFTSMAN		

7 / 7

H 701 VAGAHAPSIVWYKDERLLEEKSGVDLADSNQKLSIQRVREEDAGRYLCSV 750
 ||||| ||||| ||||| ||||| ..|||:|||||:||||| ||||| ||||| ||||| |||||
 M 701 VAGAHVPSIVWYKDERLLEEKSGIDLADSNQRLSIQRVREEDAGRYLCSV 750
 H 751 CNAKGCVNSSASVAVEGSEDKGSMEIVILVGTGVIAVFFWVLLLLIFCNM 800
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||
 M 751 CNAKGCVNSSASVAVEGSEDKGSMEIVILIGTGVIAVFFWVLLLLIFCNM 800
 H 801 RRPAAHADIKTGYLSIIMDPGEVPLEEQCEYLSYDASQWEFPRERLHLGRV 850
 :||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||
 M 801 KRPAHADIKTGYLSIIMDPGEVPLEEQCEYLSYDASQWEFPRERLHLGRV 850
 H 851 LGYGAFGKVVEASAFGIHKGSSCDTVAVKMLKEGATASEHRALMSELKIL 900
 ||:||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||
 M 851 LGHGAFGKVVEASAFGINKGSSCDTVAVKMLKEGATASEHRALMSELKIL 900
 G857R
 H 901 IHIGNHLNVNLLGACTKPQGPLMVIVEFCKYGNLSNFLRAKRDAFSPCA 950
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||
 M 901 IHIGNHLNVNLLGACTKPNGPLMVIVEFCKYGNLSNFLRVKRDTFNPYA 950
 H 951 EKSPEQGRFRAMVELARLDRRRPGSSDRVLFAFBSKTEGGARRASPDQE 1000
 ||||| ||||| ||||| ||||| :||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||
 M 951 EKSPEQRRRFRAMVEGAKADRRPGSSDRALFTRFLMGKGSARRAPLVQE 1000
 H 1001 AEDLWLSPLTMEDLVCYSFQVARGMEFLASRKCIHRDLAARNILLSSEDV 1050
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||
 M 1001 AEDLWLSPLTMEDLVCYSFQVARGMEFLASRKCIHRDLAARNILLSSESDI 1050
 R1041P D1049N
 L1044P
 H 1051 VKICDFGLARDIYKDPDYVRKGSARLPLKWMAPESIFDKVYTTQSDVWSF 1100
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||
 M 1051 VKICDFGLARDIYKDPDYVRKGSARLPLKWMAPESIFDKVYTTQSDVWSF 1100
 I1053N (Chy mouse mutation)
 H 1101 GVLLWEIFSLGASPYPGVQINEEFCQRLRDGTRMRAPELATPAIRRIMLN 1150
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||
 M 1101 GVLLWEIFSLGASPYPGVQINEEFCQRLKDGTMRAPELATPAIRHIMQS 1150
 P1114L
 H 1151 CWSGDPKARPAFSELVEILGDLLOGRGLQEEEEVCMAPRSSQSSEEGSFS 1200
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||
 M 1151 CWSGDPKARPAFSDLVEILGDLLOGGWQEEEEERMALHSSQSSEEDGFM 1200
 H 1201 QVSTMALHIAQADAEDSPPSLQRHSLAARYYNWVSFPGCLARGAETRGS 1250
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||
 M 1201 QASTTALHITEADADDSPPSMHCHSLAARYYNCVSFPGRLARGTKTPGSS 1250
 H 1251 RMKTFEFPMTPTTTYKGSVDNQTDSGMVLASEEFEQIESRHRQESGF 1297
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||
 M 1251 RMKTFEELPMTPTTYKASMDNQTDSGMVLASEEFEELSRHRPEGSF 1297

FIG. 3B

00349-09150